

Figure 1

2/7

SAMPLE # 8 (MA 1557 / FEMALE REFERENCE) - CONFIRMED MALE

MA1557/Female reference (46, XX) - confirmed male

nip nal	ment: #8/U-v65.q Nome: GenoSensor yzed by: YYS: #8	ps "Array 500 (rev.	1)					All the second s
	Tgt Nome	Cyto Location	•		Aatlo) CV(X)	Hean CorrC	Hantlodal (nh p(x)	
	149 INS 276 978 2'	1p tet 1p22.3	3	1.39	1	8.92 ++ 1.00	0.961	
	277 916 5'	Xp22.3	9	0.69	i	6.50	0.691	
	278 KAL 279 DND exon 45-51	Xp22.3 Xp21.1	3	8.67 88.8	. !	0.95 — 1.83 —	0.001	
	280 DX8588	X011.2	3	6.79	- }	0.55 —	0.002	
	281 0037132	Xq12	š	0.68	i	1.00	0.005	
þ	202 RR 9'	Xq11-q12	š	9.65	i	0.99	0.801	the state of the s
,	283 X1ST	Xq13.2	3	0.80	2	1 .69	0.805	
	294 OCRL1	Xq25 Yp11.3	3	0.67	1	9.99	0.001	
	296 SRY 297 RZFa region	Abil 13	3	1.45	9	1.00 ++ 0.99 ++	0.801	
		Total spots Hean CV, CorrC	858		1.4	0.99		
		Ratio normalizer Hodal mean, SD		0.75 1.605	8.074			

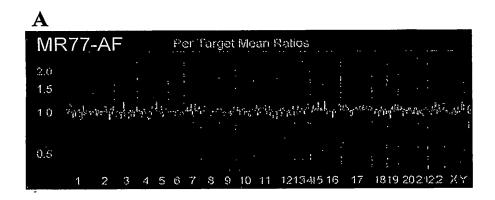
Figure 2

		PAGIO	1 vs	8.7	ale 2 vs	Mai	e 3 vs	Mate	9 4 vs	M	ale 5 vs
							ale ref.		ale ref.		male ref.
		Fema	le rei.		nale ref.			rema	ile rei.	FU	male ret.
TO SECURITY OF	ESAMPLE	SWS	B-AFILE	N.S.P.	P75-AF	DDC	813 AF:(1) 和	E HILL	7-AFRANT	34.47	1769-Alsian
Name 1	CytoLoc*	MIR US	?<0.005°*	"T/R	P<0.005 ≻	T/R-h	? <0.005 €	TO THE	P < 0,005	2T/RH	=*.P<0,005}}
D21S378	21q11.2	0.97	0	0.94	0	1.02	0	0.98	0	0.93	0
RUNX1(AML1)	21q22.3	0.91	0	0.93	0	0.88	0	0.96	0	0.89	0
DYRK1À	21q22	0.95	0	0.93	0	0.89	0	0.85	0	1.04	0
D21S341.D21S342		0.93	0	0.97	0	0.95	0	1.00	0	0.92	0
PCNT2(KEN)	21q tel	1.11	0	1.15	0	1.14	0	1.10	0	1.04	0
21QTEL08	21q tel	0.98	0	0.99	0	1.01	0	0.98	0	1.01	0
DXYS129	X/Yp tel	0.97	0	1.00	0	0.98	0	1.02	0	0.97	0
STS 3'	Xp22.3	- 3		7.7	TAME V	Alle de	0	建	刘山顶为一	0.95	0
STS 5'	Xp22.3	1. 6.31 (4.6	经价值		。 "我们还是一		213	B.	FRIDE		
KAL	Xp22.3	200			54 (FH 578)	1	0	Berg		0.86	0
DMD exon 45-51	Xp21.1	4 1	197	:	袋品提供	1.03	0	100	走对其中	0.86	Ō
DXS580	Xp11.2		112.7	. 7 %	A. V. 1		220		24.1	0.95	0
DXS7132	Xq12	0.87	0	0.94	0	0.80	0	0.85	0	0.84	Bright History
AR 3'	Xq11-q12			17.5			0		No.	10	
XIST	Xq13.2	0.85	0	:"			1. MXX	0.80	ENTYMES	0.87	0
OCRL1	Xq25		1		10 101 15		AND RESERVE			1.00	0
EST CDY16c07	X/Yq tel	0.94	0	0.99	0	0.95	0	1.01	O TOTAL STEELED TOTAL	0.97	0
SRY	Yp11.3		X.112621	1	图 基份分割		1145			1.04	0
AZFa region	Yq11	4185	41.	製作品	14 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1 1	EF62		医抗球球炎	15 P. 1 B. 1	1.02	<u> </u>

		Ň	lale 6 vs	Mal	e 7 vs	Ma	le 8 vs	Mal	e 9 vs	Mal	e 10 vs
		F	emale ref.	Fem	ale ref.	Fen	nale ref.	Fem	ale ref.	Fen	nale ref.
PART HOLD CANE	SAMPLE	1967	DAR-AR-YES	W RH	80'AFIF	MA	1557-AE1-163	LD1	888-AE-188	150) GUA	1769 AFAIN
Name Harry III 28	GVIOCOCI	WIR.	3 PK0:005m	STYRES	P<0,005	TIRE	2 P≤0.005	INT/RIE	#P40.0014		P<0.0019
D21S378	21q11.2	0.95	0	0.98	0	0.95	0	0.84	0	0.94	0 1
RUNX1(AML1)	21q22.3	0.95	0	0.90	0	1.03	0	0.95	0	0.91	o I
DYRKIA	21q22	0.98	0	0.98	0	0.99	0	0.90	0	0.88	0 1
D21S341,D21S342	21q22.3	0.94	0	1.03	O	1.04	0	0.94	0	1.02	. 0 1
PCNT2(KEN)	21q tel	1.08	0	1.04	0	1.02	0	1.09	0	1.11	0 1
21QTEL08	21q tel	1.02	0	1.02	o	1.07	Ō	0.99	0	0.89	0 1
DXYS129	X/Yp tel	0.98		0.97	0	0.97	0	1.07	0	1.10	
STS 3'	Xp22.3			0.87	0	A 5	1		1.11.35		り、課題には
STS 5'	Xp22.3		A 41	g.,	TANE	•	1				公司的企业
KAL	Xp22.3			15	海和多次可		1		David Seed	:	A 电整定器
DMD exon 45-51	Xp21.1		Line Line	10	0		1				The Control of the Co
DXS580	Xp11.2	0.80		0.84	0		1				The Later
DXS7132	Xq12	0.83		0.92	0 2007 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717 - 1717		1				
AR 3'	Xq11-q12		中海 原原				1				414
XIST	Xq13.2		沙蒙 島 街	0.85			1		学生对原		11 7 285 1
OCRL1	Xq25						1	0.0443	THE STATE OF THE SECOND	1.02	BOWEN STREET
EST CDY16c07	X/Yq tel	0.98	■31	0.94	U U	1.03	Ų	0.9113	ETTERNIT ANGEREE	1.02	9977 X 090 80
SRY	Yp11.3								基金 為職		
AZFa region	Yq11		1923			美味知		THE REAL PROPERTY.		C 3500	

			ale 11 vs ale ref.		le 1 vs le ref.		aie 2 vs le ref.	Female Male			ile 4 vs le ref.
THE PERSONAL PROPERTY OF	SAMPLE	- 5 OZ-18	36-AF	Sty MR7	7-AF	X OP	28-AF	≨45 DH 98	AFINE	IF PRE	61-AF#*
Name	CytoLoga.		P<0.005m	ST/RS 0	P<0.005 :	T/R	P<0.001₩	*TIR MAN	<0.001	河(R) 村	P<0.005⊜
D21S378	21q11.2	1.03	0	0.96	0	0.87	0	1.01	0	0.98	0
	21q22.3	2500	0	0.98	0	0,89	0	0.92	0	0.96	0
DYRK1A	21q22	12000	0.05	0.91	0	0.92	0	0.88	0	1.06	0
D21\$341,D21\$342			0.05	1.03	0	0.94	0	0.99	0	0.92	0
PCNT2(KEN)	21q tel	T WELL	0.01	1.04	0	1.02	0	1.03	0	1.03	0
21QTEL08	21a tel	XXXX	0.05	1.01	0	1.05	0	0.92	0	1.03	0
DXYS129	X/Yp tel	0.89	0	1.00	0	1.01	0	1.01	0	0.94	0
STS 3'	Xp22.3	0.84	0	0.98	0	31H29A	75.167.08	1000	15.	STORE .	Fa 6 15
STS 5'	Xp22.3	16.30	THE PARTY	0.99	0	3343	主新报 编》		14		THE TOTAL
KAL	Xp22.3		0	0.95	0		44.00		11.		分為確認以
DMD exon 45-51	Xp21.1			0.94	0		A THE STATE OF		: 消點群	163	
DXS580	Xp11.2		0	0.99	0	1.12	0		1.8	1.14	0
DXS7132	Xq12		0	1.03	0	1.05	0	1.17	0	1.20	0
AR 3'	Xq11-q12	1	7 AGE	0.94	0	数据证	PER CE	建设设设	17	143 m. 5	13.14
XIST	Xq13.2	0.85	0	0.96	0	111111111	3218 E		- 代學中		7 3 18 7 15
OCRL1	Xq25	11	3.5.1.	1.05	0	第1次 第一	型11113		71 12.	48.0	
EST CDY16c07	X/Ya tel	0.98	0	0.97	0	0.98	0	0.92	0	1.02	0
SRY	Yp11.3	1986	· 1838	1.15	0	1.1.1	ALE PERCH	70.00		9.	
AZFa region	Yq11	1.19	0	1.09	0	2 4 2	J. 14 4 1 1 1 1 1		4. 1. E. 18		利品制品

Figure 3



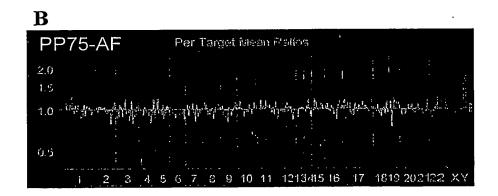


Figure 4

Cytogenetic		:Male			2:AF/	Моло. Х Ге	
Location	Locus Name	46, XX R	sterence	46, XX R	eference	46, XX R	
·		T/R.	P Value	T/R	.P Value	T/R	P Value
21q11.2	D21S378	0,95	0.5	. 0'88	0.4	O:98	0.5
21q22.3	RUNX1(AML1)	1.03	0.5	0.90	0.1	O:68	0.1
21q22	DYRK1A	6.99	0.5	0.98	0.5	O:93	0.2
21q22.3	D215341,D215342	1.04	0.5	1,03	0.5	0.92	0.4
21q tel	PCNT2(KEN)	1.02	0.5	1.04	0,4	1.12	0.1
21q tel	ZIQTEL08	1.07	0:5	1.02	0.6	1.02	0.5
Xp22.3	STS 3'	78.0	0.005	0.87	0.03	O 741 -3	<0.004
Xp22.3	STS 5'	0.69	Q:001	6 20.67	<0.001	0.65	<0.001
Xp22.3	KAL.	5.067	0:001	\$ 507 P.S	<0.001	0.71	<0:001
Xp21.1	DMD exon 45-51	43069	0:001	0.80	0.009	8.067	<0.001
Xp11.2	DXS580	078	0.002	0.84	0.1	D.85	O. f
Xg12	DX57132	0.80	0,005	0.92	0.3	O:88	0.1
Xq11-q12	AR3'	0,6813	0:001	20(46) (4)	<0.001	24 O 44	<0:00:1
Xq13.2	XIST	0,81	0,005	:0:85	0:1	D.78	0.002
Xq25	OCRL1	-0.67	0.001	20:77	0.001	0.59	<0,001
Yp11.3	SRY	1.45	0.001	. 1.36	<0.001	1.15	0:1
Yq11	AZFa:region	1.21	0.01	1.45	<0:001	4.17	0.1

Cytogenetic	Locus:Name		male 2 AF/ elerence	Tris, 21 W 46, XX R		Tris. 21 M 46, XX Re	
Location		TIR	P Value	: T/R	P. Value,	T/R	P Value
21q11:2	D21S378	1.05	0.2	1.10	0.1	1.03	0:5
21q22.3	RUNX1(AML1)	1.21	.0.008	1.15	0 :1 ;	1.24:	Q.5°
21q22	DYRK1A.	1,21	0.01	1.26	0.002	1.25	-0.05
21q22:3	D218341,D218342	1.23	0,003	1,15	0.04	1.27	:0.05
2:1q:tel	PCNT2(KEN)	1.35	≤0.001:	1.42	≠0,001.	1.38	·0;01
21q tel	21QTELU8	1.33	₹0:001	7: 1.22	. 0:005	1.27	0.05
Xp22.3	STS 3'	1:08	0.3	0,82	0.008	0.84	0,5
Xp22.3	ST'S 5'	0,93	0.2	2008	<0.001	0.70	0.005
Xp22.3	KAL .	.0:97	0.5	0.70	<0.001	0.69	0.02
Xp21.1	DMD exon 45-51	0.95	0,4	0.76	₹0.00 1	0.58	100.0
Xp11.2	DXS5B0:	4.00	0.5	0.86	0.1	0;80	.0,5
Xq.12	DXS7432	0:95	0,3	0,89	0:1	0.72	0.01
Xq11-q12	AR'3'	0.82	0.008	19053 FF	<0.001	0.55	0.001
Xq13.2	XIST	.0.96.	0.3	0.81	0.009	0:85	0.6
Xq25	OCRL1	1.14	0:1	\$20749	<0.001	7.0.74	0′00è
Yp11.3	SRY	1.16	0.1	1.50	<0.001	1.55 °	0.001
Yq11	AZFa.region	1,11	0.1	1.56	<0.001	1.19	0.6

Figure 5

Cytogenetic			Male 5 AF/ 46, XY Reference		S:AF/	Male t		Mále 6 AF/ .46, XX Reference		
Location	Locus Name	T/R	P-Value	T/R	P Value	TIR	P:Value	TVR	P value	
2(01).2	D21S378	0.94	0,5	.Q.89 `	0:5	0.83	0.5	0:82	0.1	
21022.3	RUNX1(AML1)	0.93	0.5	0.92	0.5	0:93	0.5	0:96	0.5	
21022	DYRK1A	0.99	0.5	1.00	0.5	1.00	0.6	1.01	0.5	
21022.3	D21S341,D21S342	0.96	0.5	0.95	0:5	0:91	0.8	0.94	0.5	
21q.tel	PCNT2(KEN)	1.09	0.5	1.09	0:5	1.10	0.5	1:09	0.5	
21g iei	21QTELOB	1.06	0.5	1.13	0.5	1:15	0.5	1.14.	. 0.5	
Xp22:3	STS:3'	0.99	0.5	0.59	1.00,0	.0.97	Q.5	C DEC		
Xp22:3	STS:5'	0.89	0:5	0.68	0.001	0.95	0.5	0.58	0.001	
Xp22.3	KAL	1:02	:0.5	074	0.001	1.01	0.5	10.07	0.001	
Xp21.1	DMD:exon 45-51	1.01	0.6	H 0.598	0:001	0:83	0,5	2016Q	0,001	
Xp11.2	DXS580	0:96	0.5	679	0:002	68.0	0.5	0.67	0.001	
Xq12	DXS7132	0;94	Q.S	0/82	0.005	0.78	0.02	0.674	0.001	
Xq11-q12	AR 3'	1.02	0.5	0.64	0.001	0:93	0:5	0.65	10,001	
Xq13.2	XIST	0.95	0:5	10.74	0:00:1	0.90	0.5	0.69	0,001	
Xq25	OCRL1	1.02	0.5	0.62	0,004	0.98	0.5	0.59	0.001	
Yp11.3	SRY	0.96	0.5	2.03	0.001	0.96	0.5	2.13	0.001	
Yg11	AZFa region-	1.04	.0.6	1.29	0.01	0.94	0.5	1.20	: 0,5	

.Cylogenetic	Locus Name	Female 3 AF/ 46, XY Reference			le 3 AF/. Reference:		le 4 AF/ Reference	Female 4 AF/ 46, XX Reference		
Location		T/R	P.Value	T/R	P Value	T/R	P'Value	TAR	P Value	
21q11.2	D215378	0,85	0;5	0,92	0.5	Q,98	.0:2	0.94	0.5	
	RUNX1(AML1)	0.90	0.5	0.91	0.5	0.93	0.5	,0,93	0.5	
	DYRKIA	1:08	0.5	0.98	0.5	1.01	0,5	0.96	0.5	
21q22,3	D215341,D215342	0,92	0,5	.0,94	0.5	99.0	0.5	0:91	.0.5	
21q tel	PCNT2(KEN)	1:07	D:5	1.12	0.5	1.03	0.5	1.08	0.5	
21q.tel	21QTEL08	1,08	0.5	1,00	0.5	0.91	0.5	1.01	0.5	
Kp22;3	515 3	1.70	0.001	0.94	0.5.	1.49	- 40,001	0:92	:0:5	
Kp22:3	STS 5'	1,42	0.001	0.96	0.5	· 1.34	0.001	0.99	0:5	
Xp22.3	KAL	1.46	0.001	0.90	0.5	1.36	1,001	:0:98	0:5	
Xp21.1	DMD exon 45-51	1,37	0.002	0.95	0.5	1.44	0,001	0.93	0.5	
	DXS580:	1.09	0.5	0:93	0.5	1.07	° 0,5.	0:93	0.5	
Xq12.	DX57132	0.94	0.5	0.89	0,5	1.07	0,5.	0.92	0.6	
	ARS	1.52	0.001	0.94	0.5	1.37	0.001	0:98	0:5	
Xq13,2	XIST	1.20	.0.5	0.92	0.5	1:12	0.5	0.94	0.5	
Xq25	OCRE1	1.79	0.001	0:92	.0.5	1.60 •	0.001	0,99	0:5	
rq20 Yp11.3	SRY	120014B788	0:001	1.08	0.5	0.68%	0.001	1.12	0,6	
Yq11	AZFa region	20,66	0.001	1.09	0.5	10 77	0.006	0.98	0,5	

Figure 6

	 	Mate	T AFL	Malo 7	Cěliší	. Male .	AET	Male.8	Cells/	Maio	9 AFP	Male 9	Cells/
Cytogenetic	Logus Name	AR XX R		46, XX R		: 48, XX R		48, XX R	eferience	46, XX R		48, XX R	
Location		TOTE	P.Value.	T/R	P.Value	T/R	P.Value		R.Value	T/R	. P Value	. T/RC	Pysh
21911.2	D21S378	0.97	0.4	1.05	0.2	0.94	0,2	101	Ø.S	0.88	0.5	1,03	~ O,4
21922.3	RUNX1(AML1)	0.91	0.2	0.84	0.1	.0,93	0.2	0.99	0.5	0.98	0.2	0.90	0.1
21022	DYRK1A	0.85	0.3	0.97	0.2	: 0.93	0.2	1.04	0.2	0.65	0.4	0.91	0:2
•		0.93	0.2	0.99	0.5	0.97	0.4	1.00	0.5	1,00	0.5	0.91	0.1
21022.3	D21S341,D21S342		0.1	1	0.5	1.15	0.4	1.08	0.1	1,10	0.2	1.11	0.1
21q tel	PCNT2(KEN)	1,11		0.98		0.99	0.4	1.01	Q:5	0.88	0:3	1.02	0,4
21q tel	21QTEL08	0.98	0,5	1:02	Q _i 4	200		73525555F	<0:001	37.0036	<0;001	TONE	.<0,0
Xp22.3	STS 3"	13,5017(6)	0.003	\$0.00 P	<0.001		<0.001	*****				国家	<0:0
Xp22.3	STS 5'	1000	<0.001	10.86	<0,00℃	0.050	<0,001	0.002	<0.001		<0.001	100	
Xp22.3	KAL	20,9450	<0.001	00.00	<0.001:	100330	<0,004	1309536	\$0.00 t	Name of	<0.001	2021	<0.0
Xp21.1	OMD exon 45-51	H0.74	COD\$	0.691	<0.001	te la sist	<0,001	1000	<0.001		0.001	10663	<0.0
Χρ11.2	DXS580	10761	0.001	0:81	<0.001	REAL PROPERTY.	<0.00f	No.	<0,001	3273311	0,001	0.80	00,0
Xq12	DXS7132	u.e7	0,2	0.84	,0:002	0:94	Q.5.	0.68	0.01	0:B5	0:02	0.91	Q.2
Xq11-q12	AR 3'	10.0 SB.10	~<0.001,	NAME OF THE	KD:001	26 44 III.	<pre>40:001</pre>	1000	<0.001	30.58	<0.001		<0,01
Xq13.2	XIST	0.85	0.04	756 (5.8)	.~ò.o∂1	1075 A	<0.001	1267484	×0.001	0.80	0,003	15005	·<0;0
Xq25	OCRL1	30.67 m	×0.001		-<0,001:		<0.001 ¹	B 1333	50,001	KADIK	0,001.	20.60	. <0.01
Yp11.3	SRY	1.48	P <0.0031	1.59	₹0:001∓	1.65	'-co.cot	1,73	<0.001	1.35	0.004	1.59	- <0.01
		1.35	0:001	. 1.67	<0.001+	1.78	<0.001	1.83	<0.00+	1.43	<0.001	1.61	fi <0.01
Yq.11	AZFa region	Lass	10000		CENTRAL S	1.00				بعدبب		سبب	
		1 . A.V.					4 451	Male 11	Called	¥			
Cylogenetic	t a suce thereon		DAFY.	Male 10		Male 1 48, XX Re		48, XX R					
Location	Locus Name	46, XX R				T/R		T/R.	P Velue	į .			
		. T/R	,P.Value	T/R	P Value		P Value			ł			
21q11.2	D215378	0.85	0.2	1.02	0,5	1:02	0.5	0.91	0.3	i			
21q22,3	RUNX1(AML1)	0.85	0.2	1.02	0.3	D.88	0.2	1.05	0.4	i			
21q22	DYRK1A	0.98	0.3	1.08	0.1	0.89	0.3	1,09	0.3				
21q22,3	D218341,D21S342	0:84	0.2	. 0.99	0.5	0.95	0.5	0.88	0.6				
21q tel	PCNT2(KEN)	1.08	0.1	0,68	0.2	1.14	0.1	1.12	0.1	l			
21q tel	Z1QTEL08	1.02	0.5	1.03	0.4	1.01	0.5	1.08	0.4	ŀ			
Xp22.3	STS 3'	150.05	<0,001	COLUCT	<0.001	160572	0.01	0.66	<0.001	ŀ			
Xp22.3	STS 5	學法院出	<0.001	5 0 85 11	<0.001	20.63	<0.001	OBC	<0.001				
Xp22:3	KAL	THE AT	<0.001	± 0.60 °	<0.001	Strange Contractors	•	5.0.625	<0.001				
Xp21.1	DMD exon 45-51	16.65	<0.001	0.69	<0.001	1.03	0,50	S 0.82	*0.001				
	DXS580	0.80	<0.001	0.75	<0.001	Hozz.	0:004	10.70	<0.001]			
Xp11.2		1				0.80	0,10		<0.001	1			
Xq12	DXS7132	0.83	0.003	12 To 10 To 10	<0.001	V.50	0.10	1000000	<0.001]			
Xq11-q12	AR 3'	20,50%	<0,001	7 0 80 1 X	<0.001	DESTRUCE AND				i			
Xq13.2	XIST	180.147.1	<0.001	14.0703H	100.00		0,004	FLOOP T	<0,001	ļ			
Xq25	OCRL1	280,59	<0.001	0.602	<0.001	W0.681-61	<0.001	1. O.BO	<0.001	l			
Yp11.3	5RY .	1.57	<0.001	1.48	+ <0.001i	1.74	KÖ.001	1.37	<0.001	ļ			
Yq11	AZFa region	1.49	<0.001	1.55	; <0.001∰	1.62	<0.001	1.48	<0.U01	}			
					W					_			
	** · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	Femále	5 AF/	Female	5 Cells) "	Female	BAF/	Femiale	S'Oèlls/	ı			
Cytogenetic Location	Locus Name	46, XXR	éference	48, XX.R	eforence, .	46, XX R		46, XX R	derenco	i			
COCARON		T/R	P:Value.	T/R	P Value:	. 7/R	P Value	T(R	P.Value	1			
21q11,2	D21S378	1.10	0.2	1,08	0.2	0,98	0.3	1.02	0.4	1			
21q22.3	RUNX1(AML1)	1.09	0.2	0.96	0.4	0.98	0.4	-0.88	0.3	l			
21q22	DYRK1A	1.12	0,2	1.05	0.3	0.91	Ô.1	1;02	0,2				
21q22.3	D21S341,D21S342	Ø.9B	-0,4	0,98	. 0.4	1.03	Q.5	1,00	0.5				
•		1:00	0.5	1.03	0.4	1.04	-0,3	1.00	0,5	1			
21q lei	PENT2(KEN)	1.00	0.2	1.05	0.2	1,01	0.4	1.01	0.4	l			
21q tel	21QTELOB					0.98	0.5	1.01	0.5	ŀ			
Xp22.3	STS 3'	1.08	0.3	1:00	0.4			1		Į.			
Xp22.8	ទានទ	0.94	0.3	0.88	0.1	0.99	0.5	1.01	Q.5	ľ			
Xp22.3	KÁL	.0.87	9.2	1.000	0.02	0.95	0.4	0.99	0.4				
Xp21:1	DMD exon 45:51	1.14	0,1	1.03	0.5	0.94	0.1	1.05	0.2	ļ			
Xp11.2	DXS580	0.92	0.2	0.80	0.2	0.98	0.4	1.06	0.04	l			
Xq12	DX57132	1.05	0,3	1,05	0.3	1.03	0.3	0.99.	0.4	l			
Xq11-q12	AR 3	0.94	0.3	0.68	0.1	0,94	0.2	0.88	<0.001	Į.			
Kg13.2	XIST	0.94	0.3	1.02	0.5	0.96	0.2	1.07	0.1	l			
•	-	0.89	0.2	0.84	0.1	1,05	0.5	0.88	0.5				
Kq25	OCRL1				0.5	1.15	0.01	0.98	0.5	I			
Yp11/3	SRY	0,94	0.4	1.02	0.5	1.15	0.01	1.08	0.03	1			

Figure 7